

2022年基迪奥转录组生信培训班邀请函

尊敬的老师：

您好！非常荣幸邀请您参加基迪奥 2022年06月13-17日，在腾讯会议上举行的转录组生信培训班。培训班内容始终结合前沿科学内容和科研群体需求，不断更新。从分析原理→数据挖掘→图形美化→文章发表，“一条龙”的课程给学员提供开阔、清晰的研究思路，让学员快速掌握转录组数据的挖掘方法。

| 时间 | 系列 | 时间安排 | 主题 | 课程内容 | 类型 |
|-----|--------------------------|-------------|--------------------------------|--|----|
| 第一天 | 概述简介 R语言入门表 达量分析理论和操作 | 9:00-10:00 | 转录组研究概述 | <ul style="list-style-type: none"> RNA类型介绍、对应测序手段简介 转录组在农学和医学中的应用和研究进展 RNA样本采集方法 转录组数据挖掘常见分析点 文章常见研究思路 课程的安排 | 概述 |
| | | 10:00-12:00 | R语言入门介绍 | <ul style="list-style-type: none"> R语言概念及基础知识 数据简单操作：R包安装、函数指令、数据读取、R代码绘图、数据输出等 安排课后练习题 | 实操 |
| | | 14:00-15:30 | 基于表达量分析的差异分析、 趋势分析WGCNA | <ul style="list-style-type: none"> 差异分析、趋势分析、WGCNA理论介绍 差异分析、趋势分析、WGCNA的应用 | 理论 |
| | | 15:30-17:30 | 基于表达量分析的绘图操作 | <ul style="list-style-type: none"> R语言图形绘制：小提琴图、火山图 基于分组模块的热图绘制 安排课后练习 | 实操 |
| | | 17:30-18:30 | 课后答疑 | <ul style="list-style-type: none"> 对课程中的疑问进行讲解交流 | |
| 第二天 | 基因功能分析理论 和操作 | 14:00-15:00 | 基于数据库和富集分析的功能分 析介绍 | <ul style="list-style-type: none"> 常见数据库的介绍 (NR、Swissport、KOC/COG) 其他数据库的介绍 (Pfam、SMART、TF、TMHMM等) 常见做富集分析的数据库 (GO/KEGG/DO/Reactome) 、 富集分析背景介绍 | 实操 |
| | | 15:00-17:00 | GSEA富集分析方法原理和实操 | <ul style="list-style-type: none"> GSEA富集分析原理介绍 GSEA 3.0软件作图 基于R制图:GSEA、柱状图、气泡图 安排课后练习 | 理论 |
| | | 17:00-18:00 | 课后答疑 | <ul style="list-style-type: none"> 对课程中的疑问进行讲解交流 | |
| 第三天 | 多组学分析理论和操作 | 14:00-15:30 | 基于转录组的多组学研究简介 | <ul style="list-style-type: none"> 转录调控的介绍 基于转录组的多组学研究方法 (表观+转录组、非编码+转录组、转录组+蛋白/代谢) 非编码RNA+转录组学的关联方法及应用 转录组+蛋白组/翻译组/代谢组关联方法及应用 | 理论 |
| | | 15:30-17:00 | 关联分析方法作图 | <ul style="list-style-type: none"> 基于R语言的桑基图绘制、四象限图/九象限图 (转录组+翻译组/蛋白组关联) 课后练习 | 实操 |
| | | 17:00-18:00 | 课后答疑 | <ul style="list-style-type: none"> 对课程中的疑问进行讲解交流 | |
| 第四天 | 多组学 | 14:00-16:00 | 网络图介绍及基于cytoscape的网 络调控关系绘制 | <ul style="list-style-type: none"> 调控网络的概念及应用 实操：Cytoscape软件及使用详解 实操：利用Cytoscape完成网络图绘制 安排课后练习 | 实操 |
| | | 16:00-17:00 | 转录组数据上传及技巧 | <ul style="list-style-type: none"> 测序数据上传GSA基本流程 数据上传常见报错和注意事项 转录组测序数据上传实操 | 实操 |
| | | 17:00-18:00 | 课后答疑 | <ul style="list-style-type: none"> 对课程中的疑问进行讲解交流 | |
| 第五天 | omicsmart图形处理 技巧 | 14:00-15:30 | 转录组研究思路与动态数据挖掘 | <ul style="list-style-type: none"> 基于omicsmart进行原始数据的挖掘 基于omicsmart进行表格数据的挖掘 (差异分析/趋势分析/富集分析) 基于omicsmart进行数据可视化分析 (30+种图形可视化) 基于omicsmart进行目标基因集的分析 安排课后练习 | 实操 |
| | | 15:30-17:30 | 转录组文章图形处理技巧 | <ul style="list-style-type: none"> SCI文章图形基础要求 AI软件基础操作 基于AI的图形编辑美化、组合图排版 | 实操 |
| | | 17:30-18:00 | 课后答疑 | <ul style="list-style-type: none"> 对课程中的疑问进行讲解交流 | |

备注：参加培训的学员可以继续QQ群交流，提供长期的售后答疑；资料全部赠送、提供视频课程回顾复习

培训时间：2022年06月13-17日
培训地点：腾讯会议（线上举行）
报名方式：
发送姓名 单位、电话到邮箱
contact@genedenovo.com,
主题注明“转录组培训班”
报名截止时间：2022 年06月07日
报名费用：1800元/人，报名费请转账

客服：020-39341079
转账信息：
户名：广州基迪奥生物科技有限公司
账号：727658227217
开户行：中国银行番禺大学城支行
附言：
“付款单位全称+付款人姓名+培训费”



广州基迪奥生物科技有限公司
2022年05月13日