

2019年基迪奥微生物培训班邀请函

尊敬的老师：

您好！非常荣幸邀请您参加基迪奥2019年5月13-17日，在广州举办的微生物生信培训班。本次，基迪奥为广大的微生物研究者带来一次理论与操作紧密结合的培训班。一切从你得到的数据出发，从理论→技术→实践，通过文章数据还原真实分析过程，让学员快速掌握微生物数据的挖掘方法。

课程设置如下：

| 时间 | 课时 | 主题 | 课程内容 | 类型 |
|-----|------|---------------------|--|---------------|
| 第一天 | 3h | 微生物群落研究概述与进展 | 微生物组学概述及研究进展 微生物主要研究手段介绍 群落样本采集方法及分析内容详解 常见文章研究思路讨论 | 概述简介 |
| | | 群落研究与数据挖掘 | 微生物数据挖掘的重要性及方法 | |
| | 4h | R语言入门 | R语言概念及基础知识、ggplot2介绍 数据简单操作：R包安装、函数指令、数据读取、R代码绘图、数据输出等 | |
| 第二天 | 2h | 物种分析与作图 | 物种组成分析策略介绍 不同物种数据库的使用方法 R语言图形绘制：饼图、堆叠图、热图、韦恩图 | 专题理论 实操 |
| | 2h | α多样性分析与作图 | α多样性常用指数介绍及图形详解 R语言图形绘制：盒形图、稀释曲线、rank曲线 | |
| | 3h | β多样性分析与作图 | β多样性不同距离意义及解释 PCoA、NMDS等排序方法的讨论 R语言图形绘制：距离计算、距离热图、PCoA、NMDS | |
| 第三天 | 2h | 功能分析 | 各种功能预测模型的介绍 功能分析的意义 利用PICRUST软件作图 R语言图形绘制：circos图、分类热图、组间功能比较盒形图等 | 案例操作与 实用技巧 |
| | 2.5h | 环境因素分析与作图 | 环境因子研究意义 分析内容及工具介绍 R语言图形绘制：CCA/RDA分析、VPA、mantel test | |
| | 2.5h | 差异分析 | 差异分析原理 R语言：例如R语言运行t检验，秩和检验，方差分析等常见生态学检验 | |
| 第四天 | 2.5h | 差异分析与STAMP作图 | 物种差异分析应用环境介绍 不同差异分析方法和软件比较 实操：STAMP软件及使用详解 实操：利用STAMP开展经典的案例分析 | 案例操作与 实用技巧 |
| | 2.5h | 微生物网络研究与Cytoscape作图 | 物种与物种、物种与环境因素关系介绍 网络图基本概念 实操：Cytoscape软件及使用详解 实操：利用Cytoscape完成网络图绘制 | |
| | 2h | 图形美化及发文技巧 | 发文图形要求介绍、AI图形修改 | |
| 第五天 | 3.5h | Omicsmart动态报告与数据挖掘 | Omicsmart：引领数据挖掘新潮流的第三代结题报告 以Omicsmart为基础，如何进行群落研究数据挖掘 利用Omicsmart，快速绘制SCI文章图形 | 答疑 |
| | 1.5h | 数据上传 | 原始数据上传及NCBI流程介绍 16S测序数据上传实操 | |
| | 1h | 课程总结及答疑 | 问题答疑 | |

培训班官方网站: www.omicshare.com/train

培训时间: 2019年5月13-17日

培训地点: 基迪奥(广州大学城青蓝街创智大厦)

报名方式: 发送姓名、单位、电话到邮箱
contact@genedenovo.com, 主题注明“微生物培训”

报名截止时间: 2019年5月9日

报名费用: 4500元/人(交通费住宿费自理), 报名费可以转账或现场刷公务卡

客服: 020-39341079/ 13126494345

转账信息:

户名: 广州基迪奥生物科技有限公司

账号: 727658227217

开户行: 中国银行番禺大学城北区支行

附言: “付款单位全称+付款人姓名+培训费”

2019年4月2日

广州基迪奥生物科技有限公司

